



BYP6740

pMK43
4659 bp

pMK43 (BYP6740)

79-768

25-42 S3 sequence; 37-42 SalI; 43-72 5GA linker; 73-78 KpnI; ~~79-690~~ IAA17; 769-774 XmaI; 791-796 BglII; 797-2222 kanMX cassette; 2223-2230 PmeI; 2230-2248 S2 sequence

>pMK43

```
GAACGCGGGCCGACAGCTGAAGCTTCGTACGCTGCAGgtcgacGGTGCAGG
CGCCGGGGCTGGTGCTGGGGCAggtaccATGATGGGCAGTGTGAGCTGA
ATCTGAGGGAGACTGAGCTGTGTCTTGGTCTTCCCGGTGGAGATACAGTG
GCTCCGGTAACCGGAAACAAGAGAGGGTTCTCAGAGACGGTTGATCTGAA
GCTAAATCTGAATAATGAGCCTGCAAAACAAGGAAGGATCTACGACTCATG
ACGTCGTGACTTTTTGATTCCAAGGAGAAGAGTGCTTGTCTAAAGATCCA
GCCAAACCTCCGGCCAAGGCACAAGTTGTGGGATGGCCACCGGTGAGATC
ATACCGGAAGAACGTGATGGTTTCCCTGCCAAAAATCAAGCGGTGGCCCGG
AGGCGGCGGGCTTCGTGAAGGTATCAATGGACGGAGCACCGTACTTGAGG
AAAATCGATTTGAGGATGTATAAAAAGCTACGATGAGCTTTCTAATGCTTT
GTCCAACATGTTTACGCTCTTTTACCATGGGCAAAACATGGAGGAGAAGAAG
GAATGATAGACTTCATGAATGAGAGGAAATTTGATGGATTTGGTGAATAGC
TGGGACTATGTTCCCTCTTATGAAGACAAAGACGGTGATTTGGATGCTCGT
CGGCGACGTTCCCTGGCCAATGTTTCGTGATACATGCAAGCGTTTACGTC
TCATGAAAGGATCGGATGCCATTGGTCTCGCTCCGAGGGCGATGGAGAAG
TGCAAGAGCAGAGCTTGAcccgggTTAATTAAGGCGCGCCagatctGTTT
AGCTTGCCCTCGTCCCCGCGGGTCACCCGGCCAGCGACATGGAGGCCAG
AATACCCTCCTTGACAGTCTTGACGTGCGCAGCTCAGGGGCATGATGTGA
CTGTGCGCCGTACATTTAGCCCATACATCCCATGTATAATCATTTGCAT
CCATACATTTTATGATGGCCGACGGCGGAAGCAAAAATACGGCTCCTCG
CTGCAGACCTGCGAGCAGGGAAACGCTCCCCCTCACAGACGCGTTGAATTG
TCCCCACGCGCGCCCCCTGTAGAGAAAATATAAAAAGTTAGGATTTGCCAC
TGAGGTTCTTCTTTTATATACTTCTTTTTAAAAATCTTGCTAGGATACAGT
TCTCACATCACATCCGAACATAAAACAACCATGGGTAAGGAAAAGACTCAC
GTTTTCGAGGCCCGGATTAATTTCAACATGGATGCTGATTTATATGGGTA
TAAATGGGCTCGCGATAATGTCGGGCAATCAGGTGCGACAATCTATCGAT
TGTATGGGAAGCCCGATGCGCCAGAGTTGTTTCTGAAACATGGCAAAGGT
AGCGTTGCCAATGATGTTACAGATGAGATGGTCAGACTAAACTGGCTGAC
GGAATTTATGCTCTTCCGACCATCAAGCATTTTATCCGTACTCCTGATG
ATGCATGGTTACTACCACTGCGATCCCCGGCAAAACAGCATTCAGGTA
TTAGAAGAATATCCTGATTCAGGTGAAAATATTGTTGATGCGCTGGCAGT
GTTTCTGCGCCGGTTGCATTCGATTCCTGTTTGTAAATGTCTTTTAAACA
GCGATCGCGTATTTTCGTCTCGCTCAGGCGCAATCACGAATGAATAACGGT
TTGGTTGATGCGAGTGATTTTATGATGACGAGCGTAATGGCTGGCTGTTGA
ACAAGTCTGGAAAGAAATGCATAAGCTTTTGGCATTCTCACCCGGATTCAG
TCGTCACTCATGGTGATTTCTCACTTGATAACCTTATTTTGGACGAGGGG
AAATTAATAGGTTGTATTGATGTTGGACGAGTCGGAATCGCAGACCGATA
CCAGGATCTTCCATCCTATGGAACCTGCCTCGGTGAGTTTTCTCCTTCAT
TACAGAAACCGGTTTTTCAAAAATATGGTATTGATAAATCCTGATATGAAT
AAATTGCAGTTTTTATGATGCTCGATGAGTTTTTCTAATCAGTACTGAC
AATAAAAAGATTCTTGTTTTCAAGAACTTGTCAATTTGTATAGTTTTTTTA
TATTGTAGTTGTTCTATTTTAAATCAAATGTTAGCGTGATTTATATTTTTT
TTCGCCTCGACATCATCTGCCAGATGCGAAGTTAAGTGCAGCAAAGTA
ATATCATGCGTCAATCGTATGTGAATGCTGGTCGCTATACTGCTGTGAT
TCGATACTAACGCCCATCCAgtttaaacGAGCTCGAATTCATCGATGA
TATCAGATCCACTAGTGGCCTATGCGGCCGCGGATCTGCCGGTCTCCCTA
TAGTGAGTCGTATTAATTTTCGATAAGCCAGGTTAACCTGCATTAATGAAT
CGGCCAACGCGCGGGGAGAGGGGTTTGGCTATTGGGCGCTCTTCCGCTT
CCTCGCTCACTGACTCGCTGCGCTCGGTGCTTCCGGTGCAGGCGAGCGGTA
TCAGCTCACTCAAAGCGGTAATACGGTTATCCACAGAATCAGGGGATAA
CGCAGGAAAGAACATGTGAGCAAAAAGGCCAGCAAAAAGGCCAGGAACCGTA
AAAAGGCCGCGTGTGCTGGCGTTTTTCCATAGGCTCCGCCCCCTGACGAG
CATCACAAAATCGACGCTCAAGTCAGAGGTGGCGAAAACCCGACAGGACT
ATAAAGATAACCAGGCGTTTCCCCCTGGAAGCTCCCTCGTGCCTCTCCTG
TTCCGACCCTGCCGCTTACCGGATACCTGTCCGCTTTCTCCCTTCGGGA
AGCGTGGCGCTTTCTCAATGCTCACGCTGTAGGTATCTCAGTTCGGTGTA
GGTCGTTGCTCCAAGCTGGGCTGTGTGCACGAACCCCCGTTTCAGCCCG
ACCGCTGCGCCTTATCCGGTAACATATCGTCTTGAGTCCAACCCGGTAAGA
```

CACGACTTATCGCCACTGGCAGCAGCCACTGGTAACAGGATTAGCAGAGC
GAGGTATGTAGGCGGTGCTACAGAGTTCTTGAAGTGGTGGCCTAACTACG
GCTACACTAGAAGGACAGTATTTGGTATCTGCGCTCTGCTGAAGCCAGTT
ACCTTCGGAAAAAGAGTTGGTAGCTCTTGATCCGGCAAACAAACCACCGC
TGGTAGCGGTGGTTTTTTTTGTTTGAAGCAGCAGATTACGCGCAGAAAAA
AAGGATCTCAAGAAGATCCTTTGATCTTTTCTACGGGGTCTGACGCTCAG
TGGAACGAAAACACGTTAAGGGATTTTGGTCATGAGATTATCAAAAAG
GATCTTCACCTAGATCCTTTTAAATTAAAAATGAAGTTTAAATCAATCT
AAAGTATATATGAGTAAACTTGGTCTGACAGTTACCAATGCTTAATCAGT
GAGGCACCTATCTCAGCGATCTGTCTATTTTCGTTTACCCATAGTTGCCCTG
ACTCCCCGTCGTGTAGATAACTACGATACGGGAGGGCTTACCATCTGGCC
CCAGTGCTGCAATGATAACCGCAGACCCACGCTCACCGGCTCCAGATTTA
TCAGCAATAAACCAGCCAGCCGGAAGGGCCGAGCGCAGAAGTGGTCCTGC
AACTTTATCCGCCTCCATCCAGTCTATTAATTGTTGCCGGGAAGCTAGAG
TAAGTAGTTGCCAGTTAATAGTTTTCGCAACGTTGTTGCCATTGCTACA
GGCATCGTGGTGTACGCTCGTTCGTTTGGTATGGCTTCATTCAGCTCCGG
TTCCCAACGATCAAGGCGAGTTACATGATCCCCATGTTGTGCAAAAAAG
CGGTTAGCTCCTTCGGTCCCTCCGATCGTTGTCAGAAGTAAGTTGGCCGCA
GTGTTATCACTATGCTTATGGCAGCACTGCATAATTCTCTTACTGTGAT
GCCATCCGTAAGATGCTTTTCTGTGACTGGTGAGTACTCAACCAAGTCAT
TCTGAGAATAGTGTATGCGGCGACCGAGTTGCTCTTGCCCGGCGTCAATA
CGGGATAATACCGGCCACATAGCAGAACTTTAAAAAGTGCTCATCATTGG
AAAACGTTCTTCGGGGCGAAAACCTCTCAAGGATCTTACCGCTGTTGAGAT
CCAGTTCGATGTAACCCACTCGTGCACCCAACCTGATCTTCAGCATCTTTT
ACTTTCACCAGCGTTTCTGGGTGAGCAAAAAACAGGAAGGCAAAATGCCGC
AAAAAAGGGAATAAAGGGCGACACGGAAATGTTGAATACTCATACTCTTCC
TTTTTCAATATTATTGAAGCATTATATCAGGGTTATTGTCTCATGAGCGGA
TACATATTTGAATGTATTTAGAAAAATAAAACAAATAGGGGTTCCGCGCAC
ATTTCCCCGAAAAGTGCCACCTGACGTCTAAGAAACCATTATATCATGA
CATTAACTATAAAAAATAGGCGTATCACGAGGCCCTTTCGTCTCGCGCGT
TTCGGTGTATGACGGTGAAAACCTCTGACACATGCAGCTCCCGGAGACGGT
CACAGCTTGTCTGTAAGCGGATGCCGGGAGCAGACAAGCCCGTCAGGGCG
CGTCAGCGGGTGTGGCGGGTGTGGGGCTGGCTTAACTATGCGGCATCA
GAGCAGATTGTAAGTGCACCATATGGACATATTGTCGTTAGAACG
CGGCTACAATTAATACATAACCTTATGTATCATAACATACGATTTAGGT
GACACTATA